

CENTRE NACIONAL D'ANÀLISI GENÒMICA (CNAG-CRG)

Fundació Centre de Regulació Genòmica

Dirección / Address: C/ Baldori i Reixac, 4, Torre I, 2ª Planta; 08028 Barcelona

Norma de referencia / Reference Standard: **UNE-EN ISO/IEC 17025:2017**

Actividad: Ensayo / Test

Acreditación / Accreditation nº: **1192/LE2259**

Fecha de entrada en vigor / Coming into effect: 01/04/2016

ALCANCE DE LA ACREDITACIÓN SCHEDULE OF ACCREDITATION

(Rev./ Ed. 5 fecha / Date 17/01/2022)

Categoría 0 (Ensayos en el laboratorio permanente)

Category 0 (Tests performed at permanent laboratory)

PRODUCTO/MATERIAL A ENSAYAR PRODUCTS/MATERIALS TESTED	ENSAYO TYPE OF TEST	NORMA/PROCEDIMIENTO DE ENSAYO STANDARD SPECIFICATIONS/ TEST PROCEDURE
ADN DNA	Análisis del genoma completo (SNVs, indels) por secuenciación masiva <i>Whole genome analysis (SNVs, indels) by next generation sequencing (NGS)</i>	SOP-146 <i>Método interno basado en Kapa Hyper Prep Kit</i> Análisis bioinformático (Pipeline): GPR-005 (20/09/2021) GPR-007 (20/05/2020) Método interno
ADN DNA	Análisis del Exoma completo o de regiones de interés (SNVs, indels) por secuenciación masiva <i>Exome or Custom Capture analysis (SNVs, indels) by next generation sequencing (NGS)</i>	SOP-72 SOP-161 SOP-143 <i>Método interno basado en SureSelectXT Target Enrichment System for Illumina Paired-End</i> SOP-163 SOP-164 <i>Método interno basado en Kapa HyperCap Workflow</i> Análisis bioinformático (Pipeline): GPR-005 (20/09/2021) GPR-007 (20/05/2020) Método interno

PRODUCTO/MATERIAL A ENSAYAR PRODUCTS/MATERIALS TESTED	ENSAYO TYPE OF TEST	NORMA/PROCEDIMIENTO DE ENSAYO STANDARD SPECIFICATIONS/ TEST PROCEDURE
ADN DNA	Determinación del patrón de metilación del genoma completo por secuenciación masiva <i>Whole genome methylation pattern analysis by next generation sequencing (NGS)</i>	SOP-79 <i>Método interno basado en KAPA HTP Library Preparation Kit Illumina Platforms y EpiTect Bisulfite</i> SOP-160 <i>Método interno basado en NEBNext® Enzymatic Methylation Kit_NEB #E7120S/L</i> Análisis bioinformático (Pipeline): GPR-005 (20/09/2021) GPR-007 (20/05/2020) Método interno
ARN RNA	Análisis direccional del ARN total por secuenciación masiva <i>Stranded Total RNA analysis by next generation sequencing (NGS)</i>	SOP-93 <i>Método interno basado en Truseq Stranded Total RNA Sample Preparation Guide</i> SOP-171 <i>Método Interno basado en Illumina Stranded Total RNA Prep Ligation with Ribo-Zero Plus</i> Análisis bioinformático (Pipeline): GPR-005 (20/09/2021) GPR-007 (20/05/2020) Método interno

PRODUCTO/MATERIAL A ENSAYAR <i>PRODUCTS/MATERIALS TESTED</i>	ENSAYO <i>TYPE OF TEST</i>	NORMA/PROCEDIMIENTO DE ENSAYO <i>STANDARD SPECIFICATIONS/ TEST PROCEDURE</i>
ARN RNA	Análisis direccional del ARN mensajero por secuenciación masiva <i>Stranded mRNA analysis by next generation sequencing (NGS)</i>	SOP-97 <i>Método interno basado en Truseq Stranded mRNA Sample Preparation Guide</i> SOP-145 <i>Método interno basado en KAPA Stranded mRNA-Seq kit Illumina Platforms</i> SOP-170 <i>Método interno basado en Illumina Stranded mRNA Prep Ligation</i> Análisis bioinformático (Pipeline): GPR-005 (20/09/2021) GPR-007 (20/05/2020) Método interno

Un método interno se considera que está basado en métodos normalizados cuando su validez y su adecuación al uso se han demostrado por referencia a dicho método normalizado y en ningún caso implica que ENAC considere que ambos métodos sean equivalentes. Para más información recomendamos consultar el Anexo I al CGA-ENAC-LEC.

An in-house method is considered based on standardized methods when its validity and suitability have been demonstrated against standard reference methods. This will never imply that ENAC considers both methods equivalent. For more information, please consult Annex I to the CGA-ENAC-LEC.